

Año	Título de la Publicación	Nombre de la Revista / Libro	Vínculo o DOI	Indexador	Autoría
2011	Software MyOrfeome	Sourceforge.net	http://myorfeome.sourceforge.net	Sourceforge	PA,AC
Importancia: Código computacional que sirve para comparar homología de secuencias múltiples y determinar el grado de similitud entre las secuencias proteínicas. Da un resultado que permite la comparación en formato table como se observa en la tabla a continuación. Ha sido utilizado por otros grupos.					

Tabla 3

Unassigned ORFs with homology to CPXV proteins.

ORF	CPXV homolog	ERPV (aa)	CPXV (aa)	Start	End	Alignment length	aa Identity	E-value
1 ^a	CPXV002 CPXV228	77	66	1648	1415	56	66%	4.00E-14
2 ^c	CPXV008 CPXV223	57	673	4983	4790	52	94%	4.00E-26
3 ^b	CPXV220	152	580	6649	6191	152	89%	5.00E-74
4	CPXV220	76	580	6945	6715	62	77%	2.00E-24
5	CPXV013	62	524	10828	10640	58	72%	3.00E-17
6 ^b	CPXV025	87	669	18699	18436	87	91%	2.00E-42
7	CPXV025	68	669	19080	18874	62	95%	4.00E-29
8 ^b	CPXV025	77	669	19365	19132	76	87%	7.00E-37
9 ^b	CPXV027	204	633	21188	20574	193	80%	4.00E-85
10 ^b	CPXV028	72	186	21432	21214	72	92%	4.00E-36
11	CPXV028	75	186	21656	21429	51	94%	2.00E-25
12 ^b	CPXV033	176	317	24217	23687	177	88%	7.00E-91
13 ^b	CPXV036	75	232	27017	26790	73	95%	2.00E-38
14 ^b	CPXV036	62	232	27337	27149	61	97%	5.00E-32
15 ^a	CPXV040	143	221	30273	29842	126	94%	2.00E-69
16	CPXV040	57	221	30430	30259	33	88%	3.00E-08
17	CPXV046	73	150	35540	35761	70	83%	4.00E-30
18 ^b	CPXV052	62	324	40301	40113	59	86%	9.00E-29
19	CPXV173	91	264	151204	151479	79	96%	7.00E-41

[Open in a separate window](#)

^aSimilar in ECTV-Mos.

^bSimilar in ECTV-Nar.

Uso de la aplicación por otros investigadores:

Lanave, G., Dowgier, G., Decaro, N., Albanese, F., Brogi, E., Parisi, A....Elia, G. (2018). Novel Orthopoxvirus and Lethal Disease in Cat, Italy. *Emerging Infectious Diseases*, 24(9), 1665-1673. <https://dx.doi.org/10.3201/eid2409.171283>, URL: https://wwwnc.cdc.gov/eid/article/24/9/17-1283_article

Uso en publicaciones propias:

Baoming Liu, Debasis Panda, Jorge D. Mendez-Rios, Sundar Ganesan, Linda S. Wyatt, Bernard Moss, *Journal of Virology* Mar 2018, 92 (7) e02152-17; DOI: 10.1128/JVI.02152-17

Mendez-Rios JD, Martens CA, Bruno DP, Porcella SF, Zheng ZM, et al. (2012) Genome Sequence of Erythromelalgia-Related Poxvirus Identifies it as an Ectromelia Virus Strain. *PLOS ONE* 7(4): e34604. <https://doi.org/10.1371/journal.pone.0034604>